

# CAS Sequences

23 億以上の核酸・タンパク質配列データ

CAS Sequences は、CAS 独自の配列検索機能です。特許、雑誌論文、NCBI (GenBank) から集めた膨大な配列データを対象に配列検索ができます。また、配列情報と共に、元の論文や特許の情報が得られるので、データソースの確認に手間取ることがなくなります。

## 配列検索のアレコレを、簡単に



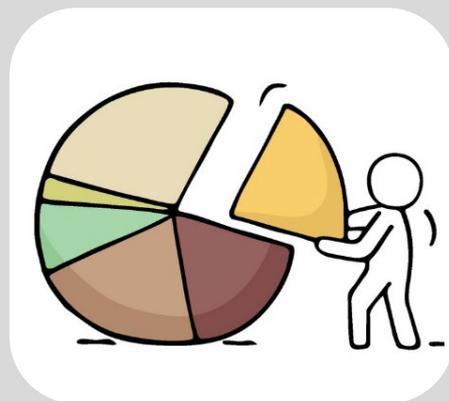
検索した配列の  
どこがマッチした  
のか一目でわかる

全配列中のヒットした領域と、マッチしたコードは、色と画で直感的にわかりやすく示されます。



パラメータの設定が  
わかりやすい

システムが標準パラメータを指定するので、配列検索に慣れていない方でもすぐに検索できます。



3 種類の検索タイプ  
で最適な検索ができる

BLAST、CDR、Motif 検索の 3 種類の検索タイプから選択して配列を検索できます。

# CAS SciFinder® の配列検索

CAS SciFinder の配列検索は、絞り込みやソート機能が充実しています。検索結果が膨大になっても効率よく必要なデータ集合を作成できます。

The screenshot displays the CAS SciFinder interface for a sequence search. The search query is `GCGTTTGCTCTTCTTCTTGGC`. The search results are sorted by Alignment Identity (100%) and are collapsed. The interface includes a left sidebar with search details and filters, and a main area showing four search results (1-4).

**BLAST Search Details:**

- Sequence Type: Nucleotide
- Search Within: Nucleotides
- BLAST Algorithm: BLASTn
- NCBI Included: No
- Alignment Identity: 80%
- Query Coverage: 90%
- E-Value: 10
- Match with Gaps?: No
- Gap Costs: Existence 5 Extension 2
- Word Size: 11

**Filter by:**

- E-Value: 0 to  $10^6$
- Query Coverage %: 0 to 100
- Subject Coverage %: 0 to 100
- Alignment Identity %: 0 to 100
- Sequence Length: 19 to 741125

**Search Results:**

Result ID	Alignment Identity	Matches	Mismatches	Subject Length
1	100%	21	0	1,488
2	100%	21	0	230,287
3	100%	21	0	901
4	100%	21	0	235,476

一般社団法人化学情報協会 情報事業部  
〒113-0021 東京都文京区本駒込6-25-4 中居ビル  
TEL : 0120-151-462 Email : customer@jaici.or.jp  
URL : www.jaici.or.jp